

Кантор Ч., Шиммел П. Биофизическая химия: В 3-х т. Пер. с англ. - М.: Мир, 1984. - Т. 1 - 336 с.,ил.

Кантор Ч., Шиммел П. Биофизическая химия: в 3-х т. Пер. с англ. - М.: Мир, 1984. - Т. 2 - 496 с.,ил.

Кантор Ч., Шиммел П. Биофизическая химия: в 3-х т. Пер. с англ. - М.: Мир, 1985. - Т. 3 - 536 с.,ил.

А.Ленинджер ОСНОВЫ БИОХИМИИ Ленинджер А. Основы биохимии: В 3-х т. Пер. с англ. - М.: Мир, 1985. - Т. 1 - 367 с.,ил.

Ленинджер А. Основы биохимии: В 3-х т. Пер. с англ. - М.: Мир, 1985. - Т. 2 - 368 с.,ил.

Ленинджер А. Основы биохимии: В 3-х т. Пер. с англ. - М.: Мир, 1985. - Т. 3 - 320 с.,ил.

Биополимеры

Нуклеиновые кислоты

Полисахариды



Белки





Nucleus





Фридрих Мишер 1844—1895

Феликс Хопп-Зейлер 1825—1895



1869 (1871)

Уровни структурной организации биополимеров

Первичная структура – полная ковалентная структура молекулы

Вторичная структура – совокупность спиральных участков молекулы (не зависящая от состава мономеров). Белки – водородные связи. Нуклеиновые кислоты – водородные связи (уотсон-криковские пары), стэкинг-взаимодействия.

Третичная структура – полная трехмерная структура молекулы (зависящая от состава мономеров) Белки – все виды связей. Нуклеиновые кислоты – водородные связи (не уотсон-криковские пары).

Четвертичная структура – пространственное расположение не связанных ковалентно единиц третичной структуры (*нековалентные связи*).

Последовательность мономеров...

R1-R2-R3-R4-R5-...

соединенных по принципу «голова к хвосту»

ДНК Первичная структура

Азотистые основания







Нуклеотиды - фосфорные эфиры нуклеозидов



Физические свойства нуклеотидов

Максисмум УФ-поглощения, нм
260
245
268
265



Спектры поглошения четырех дезоксинуклеотидов как функция pH. Спектры рибонуклеотидов весьма близки к ним, за исключением спектра уридина (U), у которого $\lambda_{max} = 260$, а не 268 нм, как для dT. [D. Voet, W.B. Gratzer, R.A. Cox, P. Doty, Biopolymers, 1, 193 (1963).]



Поглощение в УФ области дезоксирибозы и дезоксирибозо-5фосфата

Ito A., Ito T. *Photochem Photobiol*. 1986 **44**(3):355-8.

Динуклеотиды NpN



Олигонуклеотиды и полинуклеотиды NpNpNpNn...



Сахарофосфатный



Однобуквенные обозначения

- А аденин
- Т тимидин
- G гуанин
- С цитозин
- R пурин (A/G)
- Y пиримидин (T/C)
- М содержащие аминогруппу (А/С)
- К содержащие кетогруппу (G/T)
- W образующие 2 водородные связи (А/Т)
- S образующие 3 водородные связи (G/C)
- N любой



ДНК Вторичная структура

Стэкинг-взаимодействия



Спектры поглощения AMP и poly (A); отчетливо выражен гипохромизм. [K.E. Van Holde, Physical Biochemistry (Englewood Cliffs, N.J.: Prentice-Hall, 1971), p. 168.]



Стэкинг-взаимодействия

Зависимость поглощения при 258 нм от температуры для poly (A) и различных олигомеpos. [M. Leng, G. Felsenfeld, J.Mol.Biol., 15, 455 1966).]

Стэкинг-взаимодействия



Ориентационное взаимодействие

взаимодействие между постоянными диполями (сила Кеезома [r³])

Индукционное взаимодействие

взаимодействие между постоянным и индуцированным диполем (сила Дебая [r⁶])

Дисперсионное взаимодействие

взаимодействие между мгновенными индуцированными диполями (сила Лондона [r⁶])

Межмолекулярное отталкивание ([r¹²])

Стэкинг-взаимодействия



Стэкинг-взаимодействия



Пиримидин

Пурин

Стэкинг-взаимодействия



Аденин

Гуанин

Цитозин

Урацил

Водородные связи



Shishkin O.V. et al. Int. J. Mol. Sci. 2003, 4(10), 537-547

Водородные связи

Пары оснований



Две антипараллельные нити, стабилизированные водородными связями



Условные обозначения



Принцип комплементарности

Правила Чаргаффа

1. А=Т, Г=Ц

- 2. R=Y
- 3. M=K







Пары оснований

Принцип комплементарности



Конформации нуклеозидов



Конформации фуранозного кольца



Конформации пары оснований





Основные параметры спирали

Спираль



 P – шаг спирали
r – радиус спирали (диаметр d = r • 2)
δ – угол спирального вращения
z₀ – расстояние между звеньями вдоль оси Z

Двойная спираль ДНК









Вторичная структура ДНК **Двойная спираль ДНК**



Вторичная структура ДНК **Двойная спираль ДНК**


Вторичная структура ДНК **Двойная спираль ДНК**



Параметры двойных спиралей ДНК

Параметр	А-ДНК	в-днк	Z -ДНК
Спираль	Правая	Правая	Левая
Форма	Широкая, сплюснутая	Релаксированная	Удлиненная, утонченная
Повторяющаяся единица	1 пара нуклеотидов	1 пара нуклеотидов	2 пары нуклеотидов
Количество нуклеотидов на шаг спирали	11	10.4	12
Угол спирального вращения (δ)	+33.6°	+35.9°	-30°
Уклон	+19°	~ 0°	-9°
Пропеллер	+18°	+16°	0°
Расстояние между звеньями вдоль оси (z ₀)	0.24 нм	0.34 нм	0.37 нм
Шаг спирали (Р)	2.5 нм	3.5 нм	4.6 нм
Конформация нуклеозида	Анти	Анти	Ц – анти Г - син
Конформация фуранозного кольца	С3'-эндо	С2'-эндо	Ц - С2'- эндо Г - С3'- эндо
Диаметр спирали (<i>d</i>)	~ 2.6 нм	~ 2.0 нм	~ 1.8 нм
Большой желобок	Узкий глубокий	Широкий глубокий	Плоский неглубокий
Малый желобок	Широкий неглубокий	Узкий глубокий	Очень узкий глубокий
Примеры	Поли-А, шпильки ДНК, гибрид ДНК-РНК, спираль РНК-РНК	Основная форма ДНК	Поли-ГЦ

Вторичная структура нуклеиновых кислот

Шпильки, стебельки, узелки





Палиндромы

Неправильное спаривание





Плавление (денатурация) ДНК



Плавление ДНК



Кривая денатурации (плавления) двух препаратов ДНК. Температура, соответствующая средией точке перехода (*T_m*), называется точкой плавления.



Кривые плавления различных ДНК. На графике отложено относительное поглощение при 260 нм в зависимости от температуры (поглощение при 25°С принято за 1).

Плавление (денатурация) ДНК

Tm – температура плавления (*m* = *"melting"*)



Плавление (денатурация) ДНК



Плавление (денатурация) ДНК



Плавление (денатурация) ДНК



ДНК из локуса рибосомных генов, частично денатурированная щелочью (очищенная электронная микрофотография)

Реассоциация (ренатурация) ДНК



Реассоциация (ренатурация) ДНК

Нуклеация



Рост 2-цепочечного участка

Реассоциация (ренатурация) ДНК



Результат быстрого охлаждения ДНК после денатурации

Реассоциация (ренатурация) ДНК



Реассоциация (ренатурация) ДНК



Реассоциация (ренатурация) ДНК



Структуры ДНК при температурах, близких к Тт

Реассоциация (ренатурация) ДНК

Отжиг- нагрев и медленное охлаждение

Та – температура отжига (*a* = *"annealing"*) Та ≈ Tm – 5 (°C)





Гибкость ДНК



В растворе молекула ДНК представляет собой хаотичный клубок

Шаг пары оснований



Конформации шага пары оснований



Конформационная подвижность шага пар оснований





Электронная конфигурация пар оснований



Электронные конфигурации шагов пар оснований





Гибкость разных последовательностей ДНК



TCGAACTGATCAGTAGT



РНК Первичная структура

Азотистые основания



Различия в биологических свойствах урацила и тимина



Различия в биологических свойствах урацила и тимина







Нуклеотиды - фосфорные эфиры нуклеозидов


Первичная структура РНК

цΑМΦ

аденозин-3',5'-цикломонофосфат 3',5'-цикло-АМФ



Первичная структура РНК

Олигонуклеотиды и полинуклеотиды NpNpNpNn...





5'-pApGpCpU-3'

AGCU

Первичная структура РНК



РНК Вторичная структура

Конформации фуранозного кольца



Вторичная структура РНК







Нестандартные вторичные и третичная структура нуклеиновых кислот

Уотсон-криковские пары



Хугстиновские пары

Уотсон-криковские пары





Хугстиновские пары





Триплекс в большом желобке







TA*T

 $CG*C^+$









YR*R

CG*G

Триплекс в большом желобке



Квадруплекс

Теломерная ДНК





Целующиеся петли

Транспортная РНК



Триплекс в малом желобке

(водородные связи между азотистым основанием и малой бороздкой)

Самосплайсирующиеся рибозимы



Триплекс в малом желобке Мотив «ля-минор» (A-minor motif)

(водородные связи между аденином и малой бороздкой)

Транспортная РНК



Рибозная «застежка-молния»

(водородные связи между ОН группами у С2' атома рибозы)

Рибосомальная РНК



Третичная структура тРНК





Методы исследования нуклеиновых кислот

Электрофорез



Гель-электрофорез





Гель-электрофорез

 $lg\mu = lg\mu_0$ - $Kr \cdot \tau$

μ – электрофоретическая подвижность в геле μ₀ – электрофоретическая подвижность в электролите *Kr* – коэффициент замедления

т-концентрация геля

 $\mu = \frac{z}{6\pi\eta r}$ z – заряд молекулы η – вязкость среды r – радиус молекулы



Кr – коэффициент замедления

z – заряд молекулы r – радиус молекулы

Гель-электрофорез









Зависимость электрофоретической подвижности от длины ДНК в гелях разной плотности

Гель-электрофорез

Определение длины фрагмента ДНК



Гель-электрофорез





Гель-электрофорез



Атомно-силовая микроскомия (ACM) Atomic force microscopy (AFM)



ACM

Контактный режим



Tapping mode

ACM «Полуконтактный» режим



ACM

Глобулярная структура хромосомы

Глобулы диаметром 80 нм



ACM

Взаимодействие ДНК с белками (для эффективного связывания требуется суперскрученность)



Линейная ДНК

Суперскрученная ДНК





Ультрацентрифугирование

Коэффициент и константа седиментации



$$s = \frac{1}{18} \frac{D^2 \cdot (\rho_u - \rho_c)}{\eta_c}$$

s – коэффициент седиментации при известных ρ_c и η_c *s* зависит только от параметров частицы – *D* и ρ_y

Теодор Сведберг (Theodor H. E. ("The") Svedberg) 1884-1971

Если седиментация происходит в воде при 20°С ($\rho_{20,W}$ и $\eta_{20,W}$ известны),

то *s* в воде при 20°С – это константа седиментации *s*_{20.W}

$$s_{20,W} = \frac{1}{18} \frac{D^2 \cdot (\rho_u - \rho_{20,W})}{\eta_{20,W}}$$

1 S (сведберг) = 10⁻¹³ сек




Ультрацентрифугирование

Плавучая плотность

$$s_{20,W} \quad \frac{V_{s}}{a} = \frac{(\rho_{u} - \rho_{20,W}) \cdot \eta_{c}}{(\rho_{u} - \rho_{c}) \cdot \eta_{20,W}}$$

Формированиее градиента плотности при ультрацентрифугировании растворов солей







Ультрацентрифугирование

Седиментация

$$M_{u} = s \cdot \frac{f}{(1 - \rho_c / \rho_u)}$$

f – фактор трения зависит от: формы частицы размера частицы вязкости жидкости

Определение *M*_{*q*} с применением седиментационного анализа требует определенных допущений

Видимая М, зависит от формы и размера частицы

5S pPHK, 16S pPHK, 23S pPHK, 30S субъединица рибосомы, и т.д.

Разделение частиц по плавучей плотности

Градиент плотности CsCl



Methods in Biotechnology, Vol. 24: Animal Cell Biotechnology



